

นายวัชรินทร์ หุมจันทร์ : พอร์นที่จำเพาะต่อน้ำตาลไคโตโอลิโกแซคคาไรด์ (*VhChiP*) จากแบคทีเรียในทะเล *Vibrio harveyi*: การโคลน การแสดงออกและลักษณะเฉพาะเชิงหน้าที่ (CHITOLIGOSACCHARIDE-SPECIFIC PORIN (*VhChiP*) FROM THE MARINE BACTERIUM *VIBRIO HARVEYI*: CLONING, EXPRESSION AND FUNCTIONAL CHARACTERIZATION) อาจารย์ที่ปรึกษา : รองศาสตราจารย์ ดร. วิภา สุจินต์, 224 หน้า.

การศึกษานี้รายงานถึงการแยกยีนส์ที่สังเคราะห์ไคโตพอร์นที่มีชื่อว่า *VhChiP* จากจีโนมของแบคทีเรีย *Vibrio harveyi* โปรตีนไคโตพอร์นที่มีในระบบของแบคทีเรียอีโคไล พบว่าเมื่อทำการแสดงออกของโปรตีนดังกล่าวสามารถทนต่อ SDS ว่องไวต่ออุณหภูมิ และมีความจำเพาะต่อแอนติบอดีชนิด anti-ChiP polyclonal antibody จากการตรวจหาคุณสมบัติการสร้างพอร์น *VhChiP* ด้วยเทคนิค Planar Lipid Membrane (BLM) Reconstitution Technique แบบไม่มีตัวทำละลายโปรตีน *VhChiP* สามารถแทรกตัวเข้าไปเพื่อฝังตัวอยู่ในผนังสองชั้นของลิปิดและมีการเปิดแบบสามหน่วยที่เสถียรด้วยค่าการนำผ่านของไอออน (Conductance, G (nS)) เท่ากับ 1.9 ± 0.07 ในสารละลายบัฟเฟอร์ที่มี 1 โมลาร์ โพแทสเซียมคลอไรด์ การติดตามผลการวัดค่ากระแสในระดับ microsecond ของโปรตีนหนึ่งโมเลกุลทำให้ทราบว่ามีการแพร่ผ่านของไคโตโอลิโกแซคคาไรด์ ด้วยค่าคงที่การจับเท่ากับ $500,000 \text{ M}^{-1}$ ซึ่งแสดงถึงการจับที่ดีที่สุดกับสับสเตรทชนิดไคโตเฮกซะไอส โดยที่ค่า On-rate ขึ้นตรงกับค่าต่างศักย์ไฟฟ้าที่ให้กับระบบ ในขณะที่เดียวกันก็ยังขึ้นอยู่กับด้านของการเติมน้ำตาล ผลดังกล่าวทำให้ทราบแน่ชัดว่าลักษณะของช่องที่อยู่ภายในโปรตีนมีลักษณะเป็นแบบไม่สมมาตร การทดลอง Liposome swelling assays แสดงให้เห็นถึงการแพร่ผ่านของน้ำตาลไคโตโอลิโกแซคคาไรด์ และยืนยันว่าไคโตพอร์นเป็นช่องแพร่ผ่านที่จำเพาะต่อน้ำตาลไคโตโอลิโกแซคคาไรด์เท่านั้น

จากการศึกษาต่อไปยังแสดงให้เห็นถึงผลที่เกิดขึ้นตรงตำแหน่งภายในช่องแคบของไคโตพอร์นที่ใช้สำหรับการแพร่ผ่านของไอออนและน้ำตาลไคโตเฮกซะไอส จากการเปลี่ยนตำแหน่งของ Trp136 ซึ่งเป็นกรดอะมิโนที่อยู่ตรงกลางของช่องพอร์นเป็น Ala หรือ Asp ส่งผลให้เกิดการแพร่ผ่านของไอออนผ่านช่องพอร์นเพิ่มสูงเล็กน้อย จากการวิเคราะห์กระแสของไอออนที่ถูกปิดกั้นด้วยโมเลกุลของน้ำตาลไคโตเฮกซะไอส ทำให้ทราบแน่ชัดว่าช่องพอร์นมีลักษณะไม่สมมาตรต่อการแพร่ผ่านของน้ำตาลจากตำแหน่งของการเติมน้ำตาลและชนิดของความต่างศักย์ไฟฟ้าที่กระตุ้นเข้าไปในระบบ เมื่อเติมน้ำตาลไคโตเฮกซะไอส ที่ด้าน *Cis* พบว่าโปรตีนที่มีการเปลี่ยนแปลงของ

กรดอะมิโนตรงตำแหน่งของ Trp136 เป็น Ala และ Arg ค่า On-rate และ Off-rate ทำให้ทราบว่าเมื่อเปลี่ยนตำแหน่งของ Trp136 มีผลต่อการนำเข้าของน้ำตาลและความชอบในการจับเพิ่มขึ้นอย่างเห็นได้ชัดของช่องพอริน ยิ่งไปกว่านั้นการศึกษาด้วยการไทเทรตน้ำตาลและวัดด้วยวิธี Fluorescence spectroscopy แสดงให้เห็นว่าการแทนที่ Trp136 ส่งผลให้มีการลดลงของค่าคงที่ในการจับกับน้ำตาล ซึ่งผลกระทบมากที่สุดคือการแทนที่ด้วยหมู่ Ala (W136A) เนื่องจากโปรตีนดังกล่าวไม่สามารถจับกับน้ำตาลชนิดโคโตโอลิโกแซคคาไรด์ สายสั้นๆ ได้ เช่น GlcNAc₃, GlcNAc₄ และ GlcNAc₅ ตามลำดับ จากการทดลองด้วยวิธี Liposome swelling assays แสดงให้เห็นถึงการลดลงของอัตราการแพร่ผ่านของน้ำตาลโคโตเฮกซะโอส กับชนิดของโปรตีนที่มีการเปลี่ยนตำแหน่งกรดอะมิโนของ W136 ทุกชนิดอีกด้วย *VhChiP* ยังแสดงคุณสมบัติเลือกไอออนชนิดประจุบวก (Cation selectivity) ด้วยอัตราส่วนของ P_{K^+}/P_{Cl^-} เท่ากับ 3.2 (-23 mV) ในสารละลายโพแทสเซียมคลอไรด์ ในทางตรงกันข้าม โปรตีนกลายพันธุ์ W136D มีการเปลี่ยนแปลงของการเลือกต่อไอออนและสามารถจับกับไอออนชนิดที่เป็นบวกเพิ่มมากขึ้นด้วยอัตราส่วนของ P_{K^+}/P_{Cl^-} เท่ากับ 4.2 (-28 mV) ในทางตรงกันข้าม โปรตีนกลายพันธุ์ W136R มีการลดลงของการเลือกต่อไอออนชนิดที่มีประจุเป็นบวกด้วยอัตราของ P_{K^+}/P_{Cl^-} เท่ากับ 2.74 (-20 mV) ดังนั้น จากผลการทดลองทำให้ทราบว่า Trp136 มีบทบาทสำคัญต่อการแพร่ผ่านของน้ำตาลผ่านช่องพอรินชนิด *VhChiP*

สาขาวิชาชีวเคมี
ปีการศึกษา 2557

ลายมือชื่อนักศึกษา _____

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา _____

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม _____

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม _____

WATCHARIN CHUMJAN : CHITOOOLIGOSACCHARIDE-SPECIFIC
PORIN (*VhChiP*) FROM THE MARINE BACTERIUM *VIBRIO HARVEYI*:
CLONING, EXPRESSION AND FUNCTIONAL CHARACTERIZATION
THESIS ADVISOR : ASSOC. PROF. WIPA SUGINTA, Ph.D. 224 PP.

BLACK LIPID MEMBRANE/*VIBRIO HARVEYI*/VHCHIP/PORIN

This study reports isolation of the gene encoding chitoporin, namely *VhChiP*, from the genome of *Vibrio harveyi*. The *E. coli* expressed *VhChiP* was found to be SDS-resistant, heat-sensitive, and selectively reacting only with anti-ChiP polyclonal antibodies. The pore-forming property of *VhChiP* was investigated using solvent-free planar lipid membrane reconstitution technique. *VhChiP* inserted into artificial membranes and formed a stable trimeric channel with average single conductance of 1.9 ± 0.07 nS in 1 M KCl. Single channel recordings in the presence of chitosugars with different chain lengths resolved translocation of chitooligosaccharides at microsecond time resolution. The greatest rate was observed for chitohexaose, with the binding constant of $K = 500,000 \text{ M}^{-1}$. The on-rates of chitosugars depend on applied voltages, as well as the side of the sugar addition, clearly indicating the inherent asymmetry of the *VhChiP* lumen. Liposome swelling assays showed only permeation of chitooligosaccharides, indicating that *VhChiP* is a chitooligosaccharide-specific channel.

Further studies reported the effect of the constriction zone on ions transport and chitohexaose translocation. Mutation of Trp136, the amino acid residue locating in the middle of the pore, to Ala or Asp slightly enhanced ion conductivity of the *VhChiP* channel. Noise analysis of the ion current in presence of chitohexaose

confirmed that the *VhChiP* channel asymmetrically responded to side of sugar addition, as well as applied electrical field. Addition of chitohexaose on the *cis* side of mutants W136A and W136R resulted in great increases in both on-rate and off-rate, suggesting that this mutation of Trp136 particularly interfered sugar accessibility, as well as binding affinity of the channel. In addition, titration measurements using fluorescence spectroscopy showed that the Trp136 substitution caused decreased in the binding constant. The highest effect was observed for the alanine mutant, for which the W136A could not bind to short chain chiooligosaccharides, including GlcNAc₃, GlcNAc₄ and GlcNAc₅, respectively. Liposome swelling assay also showed reduced permeability rate of chitohexaose with all the W136 mutants. *VhChiP* showed selectivity toward cation with the P_{K^+}/P_{Cl^-} ratio of about 3.2 (-23 mV) in a bulk solution of KCl. In contrast, with the mutant W136D, the ion selectivity was changed and attracted more cation (K^+) with the P_{K^+}/P_{Cl^-} ratio of about 4.2 (-28 mV). On the other hand, the W136R mutant decreased selectivity towards cation with the P_{K^+}/P_{Cl^-} ratio of about 2.74 (-20 mV). Such result suggested that Trp136 played an important role for sugar translocation through the *VhChiP* channel.

School of Biochemistry

Academic Year 2014

Student's Signature _____

Advisor's Signature _____

Co-advisor's Signature _____

Co-adviser's Signature _____