

การศึกษาการแสดงออกและการตรวจสอบโปรตีน SFR2 จากข้าวใน *Escherichia coli* และ *Pichia pastoris* (THE EXPRESSION AND DETECTION OF RICE SFR2 IN *ESCHERICHIA COLI* AND *PICHA PASTORIS*) อาจารย์ที่ปรึกษา : รองศาสตราจารย์ ดร. มารินา เกตุทัต-คาร์นส์, 126 หน้า.

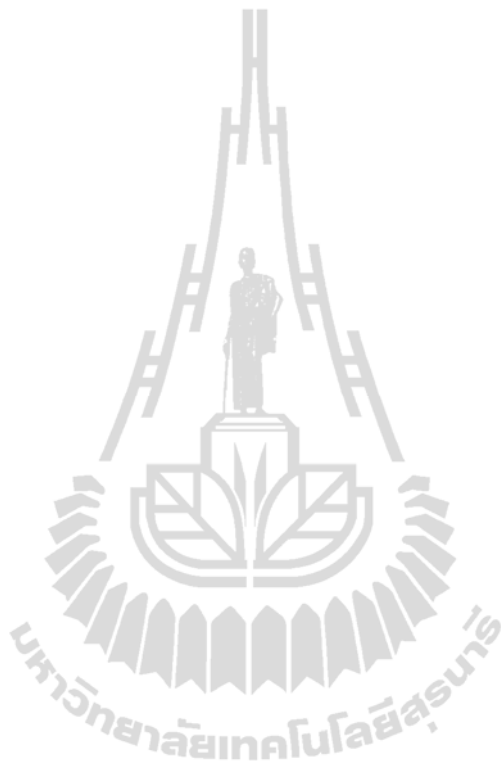
งานวิจัยนี้เป็นการศึกษาการแสดงออกของโปรตีน SFR2 ของข้าวใน *E. coli* และ *P. pastoris* ส่วนทางด้านปลายเอ็นและปลายซีของโปรตีน SFR2 ถูกสร้างใน *E. coli* ด้วยระบบของ pET32a ผลการทดลองพบว่ามีเพียงกรดอะมิโน 260 ตัวทางด้านปลายซีและกรดอะมิโน 174 ตัวทางด้านปลายเอ็นเท่านั้นสามารถแสดงออกใน *E. coli* ได้ส่วนของ PEST sequence ที่พบในโปรตีน SFR2 ซึ่งเป็นลำดับของกรดอะมิโนที่มีการเหนี่ยวนำให้เกิดการย่อยสลายของโปรตีนโดยโปรติเอสถูกทำให้เปลี่ยนแปลงโดยเปลี่ยนกรดอะมิโนกลูตามิกเป็นกลูตามีนโดยวิธีพีซีอาร์มีวตาเจนเนสซิส อย่างไรก็ตามเมื่อทำให้มีการแสดงออกของโปรตีนพบว่า SFR2 ที่มีการมิวเทดไม่สามารถสร้างโปรตีนได้ ดังนั้นจึงเปลี่ยนระบบจาก pET32a ไปเป็น pCold I และทำให้มีการแสดงออกใน *E. coli* เช่นเดิม ผลการทดลองพบว่าโปรตีน SFR2 ไม่สามารถแสดงออกได้โดยใช้ pCold I เช่นกัน เนื่องจากข้อจำกัดของการย้อมสี Coomassie blue ในการตรวจสอบโปรตีนบน SDS-PAGE จึงได้ทำการตรวจสอบโปรตีนโดยเทคนิค western blot เพื่อตรวจสอบหาโปรตีน SFR2 โดยการใช้โปรตีนส่วนปลายซีของ SFR2 เป็นแอนติเจนเพื่อสร้างแอนติเซรัม ผลการทดลองพบการแสดงออกของโปรตีน SFR2 แต่มีในปริมาณเพียงเล็กน้อย ดังนั้นระดับอาร์เอ็นเอของ SFR2 จึงถูกตรวจสอบโดยใช้เทคนิค Northern blot พบว่า ระดับอาร์เอ็นเอของส่วนทางด้านปลาย 5' (ปลายเอ็นของโปรตีน) แสดงความสัมพันธ์กับผลการทดลองที่แสดงบน western blot คือระดับอาร์เอ็นเอน้อยจึงส่งผลให้มีการแสดงออกของโปรตีนที่น้อยด้วย อย่างไรก็ตามผลการทดลองของระดับอาร์เอ็นเอทางปลาย 3' (ปลายซีของโปรตีน) ไม่ได้แสดงออกในทิศทางเดียวกัน *P. pastoris* ถูกใช้เป็นเซลล์เจ้าบ้านเพื่อให้มีการแสดงออกของโปรตีน SFR2 อย่างไรก็ตามผลการทดลองใน SDS-PAGE ไม่ได้บ่งบอกอย่างชัดเจนว่ามีการแสดงออกของ SFR2 หรือไม่

SASIPRAPA KANJANAWATTANA : THE EXPRESSION AND DETECTION
OF RICE SFR2 IN *ESCHERICHIA COLI* AND *PICHIA PASTORIS*. THESIS
ADVISOR : ASSOC. PROF. MARIENA KETUDAT-CAIRNS, Ph.D., 126 PP.

SFR2/PROTEIN EXPRESSION/PROTEIN DETECTION

The rice sensitive to freezing2 (*SFR2*) gene was cloned and expressed in *E. coli* and *P. pastoris*. The *SFR2* proteins with N-terminal and C-terminal deletions were expressed in *E. coli* with the pET32a system. Results indicated that only 260 amino acids of the C-terminal and 174 amino acids of the N-terminal regions could be produced in *E. coli*. A PEST sequence, a region known to target its protein to proteolysis was found in the rice *SFR2* protein. The PEST sequence in *SFR2* was mutated by changing glutamic acids to glutamine. Then the mutated gene was expressed in *E. coli*. However, Coomassie blue stained SDS-PAGE could not detect any expressed *SFR2* protein. The expression vector was changed to pCold I and again the *SFR2* gene deletion were expressed in *E. coli*. The results still showed no detectable protein on SDS-PAGE. Because of the limitation of Coomassie blue staining, western blot analysis was done. The C-terminal region of *SFR2* protein (28_*SFR2*) was used as antigen to produced rabbit antisera. With this antisera, it was shown that the *SFR2* protein could be expressed in *E. coli*, but only in very small amounts which were not detected by Coomassie blue stained SDS-PAGE. To determine the reasons, the RNA levels were investigated. The amount of RNA of the 5's region, encoding the N-terminal region, correlated with the western blot results that the lower RNA levels showed low protein levels. In contrast, the RNA encoding the C-terminal region did not show the same correlation.

P. pastoris was also used as expression host but no detectable protein can be found on SDS-PAGE even with the SFR2 with codons optimized for *P. pastoris* expression.



School of Biotechnology

Student's Signature_____

Academic Year 2010

Advisor's Signature_____