

ศิริวรรณ ณะวงษ์ : การแยก คัดเลือก และระบุชนิดแบคทีเรียที่ผลิตเอนไซม์โปรตีนจาก
กระบวนการหมักน้ำปลาเพื่อใช้เป็นก๊อปปี้เชื้อ (ISOLATION, SELECTION AND
IDENTIFICATION OF PROTEINASE-PRODUCING BACTERIA FROM FISH
SAUCE FERMENTATION TO BE USED AS STARTER CULTURE) อาจารย์ที่ปรึกษา
: รองศาสตราจารย์ ดร.จิรวรรณ ยงสวัสดิกุล, 162 หน้า.

วัตถุประสงค์ของการศึกษานี้เพื่อคัดแยกและระบุชนิดของแบคทีเรียที่สร้างโปรตีน จาก
ตัวอย่างน้ำปลาที่หมักในระยะเวลาต่างๆ และศึกษาผลของอุณหภูมิ ค่าความเป็นกรด-ด่าง และความ
เข้มข้นของเกลือโซเดียมคลอไรด์ที่เหมาะสมต่อการเจริญ และผลิตโปรตีนของแบคทีเรียที่คัดเลือก
ได้คัดแยกแบคทีเรียที่สร้างโปรตีนจากตัวอย่างน้ำปลาที่หมักในช่วง 1-12 เดือน น้ำคาวปลา
และเกลือสมุทร จำนวนทั้งสิ้น 50 ตัวอย่าง จากแบคทีเรียที่คัดแยกได้ทั้งสิ้น 308 ไอโซเลท พบว่า 27
ไอโซเลท สามารถย่อยโปรตีนจากปลากระดูกได้ดี เมื่อระบุชนิดของแบคทีเรียที่คัดเลือกได้โดยอาศัย
ลักษณะทางสัณฐานวิทยาและสรีรวิทยา พบว่าเป็นแบคทีเรียแกรมบวกรูปร่างเชลล์เป็นท่อนที่สร้าง
สปอร์ (spores) แบคทีเรียแกรมลบรูปร่างเชลล์เป็นท่อน และแบคทีเรียแกรมบวกรูปร่างเชลล์กลม
จากการวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ของ 16S rRNA gene พบว่าแบคทีเรียดังกล่าวข้างต้นจัดอยู่
ในสกุล *Virgibacillus*, *Halomonas*, *Bacillus*, *Brevibacterium*, *Corynebacterium* และ
Staphylococcus แบคทีเรียที่สร้างโปรตีนซึ่งย่อยโปรตีนปลาได้ดีที่สุด 3 ไอโซเลท คือ SK33,
SK37 และ SK1-1-5 โดย SK33 และ SK37 มีความเหมือนของลำดับนิวคลีโอไทด์กับ *Virgibacillus*
halodenitrificans DSM 10037 96% และ 95% ตามลำดับ ส่วน SK1-1-5 มีความเหมือนกับ
Staphylococcus saprophyticus ATCC 15305 95% ดังนั้น SK33 และ SK37 จัดอยู่ในสกุล
Virgibacillus และ SK1-1-5 จัดอยู่ในสกุล *Staphylococcus* จากการวิเคราะห์ผลด้วย Phylogenetic
tree เมื่อประเมินผลร่วมกับลักษณะทางสัณฐานวิทยาและสรีรวิทยา และความเหมือนของลำดับ
นิวคลีโอไทด์ของ 16S rRNA gene พบว่า *Virgibacillus* sp. SK33, *Virgibacillus* sp. SK37 และ
Staphylococcus sp. SK1-1-5 มีแนวโน้มที่จะเป็นแบคทีเรียชนิดใหม่

สภาวะที่เหมาะสมต่อการเจริญและสร้างโปรตีนของแบคทีเรียที่คัดเลือกแต่ละไอโซเลท
แตกต่างกัน *Virgibacillus* sp. SK33, *Virgibacillus* sp. SK37 และ *Staphylococcus* sp. SK1-1-5
เจริญได้ดีที่ระดับเกลือโซเดียมคลอไรด์เข้มข้น 18, 20 และ 15% ตามลำดับ ในอาหาร fish broth ที่มี
ความเป็นกรด-ด่างเริ่มต้นเท่ากับ 7.0 ทุกไอโซเลทเจริญได้ดีที่สุดที่อุณหภูมิ 35 องศาเซลเซียส
Virgibacillus sp. SK33 สร้างโปรตีนได้ดีที่สุดเมื่อเจริญในอาหาร fish broth ที่มีระดับเกลือ
โซเดียมคลอไรด์เข้มข้น 25% ที่ 40 องศาเซลเซียส ทั้ง *Virgibacillus* sp. SK37 และ *Staphylococcus*

sp. SK1-1-5 สร้างโปรตีนสไลด์ได้ในอาหารที่มีระดับเกลือโซเดียมคลอไรด์เข้มข้น 5% ที่ 35 องศาเซลเซียส สารสกัดจากยีสต์ และกลูโคสไม่จำเป็นต่อการเจริญและผลิตโปรตีนของแบคทีเรียทั้งสามไอโซเลท และเมื่อทดลองเตรียมกล้าเชื้อเพื่อเร่งกระบวนการหมักนำปลาจากปลากระดูก พบว่าเมื่อเติมกล้าเชื้อลงในวัตถุดิบคือปลากระดูกที่ผ่านการย่อยด้วยเอนไซม์อัลคาเลสในระดับ 0.25% (65 องศาเซลเซียส นาน 2 ชั่วโมง) และเอนไซม์เฟโวไซม์ในระดับ 0.5% (50 องศาเซลเซียส นาน 4 ชั่วโมง) และมีเกลือสมุทรที่ระดับความเข้มข้น 25% หลังจากหมักเป็นเวลา 120 วัน ปริมาณกรดอะมิโนแอลฟาของปลากระดูกหมักที่เติม *Virgibacillus* sp. SK33, *Virgibacillus* sp. SK37 และ *Staphylococcus* sp. SK1-1-5 มีค่าสูงกว่าตัวอย่างควบคุม (วัตถุดิบที่ไม่เติมกล้าเชื้อ) ผลที่ได้จากการศึกษานี้แสดงถึงแนวโน้มในการใช้ประโยชน์แบคทีเรียทั้ง 3 ไอโซเลท ในกระบวนการหมักนำปลา

สาขาวิชาเทคโนโลยีอาหาร

ปีการศึกษา 2549

ลายมือชื่อนักศึกษา _____

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา _____

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม _____

SIRIWAN NAWONG : ISOLATION, SELECTION AND IDENTIFICATION OF
PROTEINASE-PRODUCING BACTERIA FROM FISH SAUCE
FERMENTATION TO BE USED AS STARTER CULTURES. THESIS
ADVISOR : ASSOC. PROF. JIRAWAT YONGSAWATDIGUL, Ph.D. 162 PP.

PROTEINASE-PRODUCING BACTERIA/FISH SAUCE FERMENTATION/
/PROTEINASE PRODUCTION/STARTER CULTURE

The objectives of this study were to isolate and identify proteinase-producing bacteria from various periods of fish sauce fermentation. In addition, the effects of temperature, pH, and NaCl concentration on bacterial growth and proteinase production of selected strains were investigated. Proteinase-producing bacteria were isolated from 50 samples of fish sauce fermented for 1-12 months, fish juice, and solar salt samples. A total of 308 bacterial isolates were collected, and 27 of them could hydrolyze anchovy proteins. Bacterial identification was performed using morphological and physiological characteristics. These bacterial isolates were Gram-positive and spore-forming rod, Gram-negative rod, and Gram-positive cocci. Based on 16S rRNA gene sequences, they were identified as *Virgibacillus*, *Halomonas*, *Bacillus*, *Brevibacterium*, *Corynebacterium*, and *Staphylococcus*. Three selected isolates producing the highest proteinases were SK33, SK37 and SK1-1-5. SK33 and SK37 showed sequences homology to *Virgibacillus halodenitrificans* DSM 10037 96% and 95% similarity, respectively. SK1-1-5 showed 95% similarity to *Staphylococcus saprophyticus* ATCC 15305. Thus, SK33 and SK37 were closely related to the genus *Virgibacillus*. SK1-1-5 was identified as the genus *Staphylococcus*. On the basis of the

phylogenetic analyses and the combination of morphological, physiological characteristics and 16S rRNA gene sequences, three isolates namely *Virgibacillus* sp. SK33, *Virgibacillus* sp. SK37 and *Staphylococcus* sp. SK1-1-5 were likely to be new species.

Optimum conditions for growth and proteinase production of each selected isolate were different. The optimum NaCl concentration for growth of *Virgibacillus* sp. SK33, *Virgibacillus* sp. SK37 and *Staphylococcus* sp. SK1-1-5 were 18, 20 and 15%, respectively, in fish broth at the initial pH 7. All isolates grew very well at 35°C. *Virgibacillus* sp. SK33 optimally produced proteinase in the fish broth containing 25% NaCl at 40°C. Both *Virgibacillus* sp. SK37 and *Staphylococcus* sp. SK1-1-5 showed their optimum temperature for proteinase production in fish broth containing 5% NaCl at 35°C. Yeast extract and glucose were not needed for bacterial growth and proteinase production of three selected strains. The three selected isolates were also tested for their ability to accelerate protein hydrolysis of anchovy. Three starter cultures were added into anchovy hydrolysate prepared from 0.25% Alcalase[®] (65°C for 2 h) and 0.5% Flavourzyme[®] (50°C for 4 h) containing 25% solar salt. After incubation for 120 days, α -amino content of samples inoculated by *Virgibacillus* sp. SK33, *Virgibacillus* sp. SK37, and *Staphylococcus* sp. SK1-1-5 were higher than the control (without starter culture). These studies demonstrated the potential of three selected strains to be used as starter culture for fish sauce fermentation.

School of Food Technology

Student's Signature_____

Academic Year 2006

Advisor's Signature_____

Co-Advisor's Signature_____