สายน้ำทิพย์ รังดิษฐ : บทบาทของยีน AMT2 ต่อการสร้างปัจจัยความรุนแรงและกระบวนการ ผ่านแนวกั้นระหว่างหลอดเลือดและสมองของ Cryptococcus neoformans (THE ROLE OF AMT2 GENE IN ASSOCIATION WITH VIRULENCE FACTORS AND TRANSMIGRATION PROCESS OF CRYPTOCOCCUS NEOFORMANS ACROSS THE BLOOD-BRAIN BARRIER) อาจารย์ที่ปรึกษา : อาจารย์ ดร.มัณฑนา แจ่มกลาง, 59 หน้า.

คำสำคัญ: เชื้อ Cryptococcus neoformans/ ยีน AMT2/ แนวกั้นระหว่างหลอดเลือดกับสมอง

เชื้อ Cryptococcus neoformans เป็นเชื้อก่อโรคชนิดมีแคปซูลหุ้มที่ก่อให้เกิดภัยคุกคาม ชีวิตด้วยการบุกรุกเข้าไปยังระบบประสา<mark>ทส่วนก</mark>ลางซึ่งพบได้บ่อยในกลุ่มผู้ที่มีภูมิคุ้มกันบกพร่อง ประกอบไปด้วย ผู้ป่วยโรคเอดส์ กลไกในการผ่านแนวกั้นระหว่างหลอดเลือดกับสมองของเชื้อ Cryptococcus neoformans เป็นกระบวนการที่มีความซับซ้อน จากการศึกษาก่อนหน้าใน แบบจำลองแนวกั้นระหว่างหลอดเลื<mark>อดแ</mark>ละสมอง <mark>(ใน</mark>หลอดทดลอง) พบว่า เชื้อ *C. neoformans* มี การแสดงออกของยีนบางกลุ่มในระ<mark>ดับจีโ</mark>นมเพิ่มมากขึ้นข<mark>ณะที่</mark>เชื้อมีการสัมผัสกับเซลล์บุผนังหลอดเลือด หนึ่งในยีนที่มีการแสดงออกมาก<mark>ขึ้นคื</mark>อยืน ammonium tr<mark>ans</mark>porter (*AMT*2) จากการศึกษาอื่น ๆ ก่อน หน้านี้พบว่ายีน ammonium transporter มีความเกี่ยวข้องกับการเหนี่ยวนำให้เกิดการแสดงออกทาง คุณสมบัติของเซลล์ยีสต์ในการรุกรานเซ<mark>ลล์โฮ</mark>สต์ได้ ดังนั้น วัตถุประสงค์ของงานวิจัยนี้คือ เพื่อ ตรวจสอบบทบาทของ<mark>ยืน AMT2 ในกระบวนการผ่านเข้าสู่สมองข</mark>องเชื้อ C. neoformans ศึกษา ความเกี่ยวข้องในการสร้า<mark>งปัจจัยควา</mark>มรุนแรงของเชื้อ และเพื่<mark>อพิจา</mark>รณาความเกี่ยวข้องของยีน AMT2 ในการเปลี่ยนแปลงทางสัณฐาน<mark>วิทยาของเชื้อ C. neoformans</mark> ผลการศึกษาในครั้งนี้ พบว่า เชื้อ C. neoformans ที่ขาดยืน AMT2 (amt2∆) มีความสามารถในการผ่านเข้าสู่สมองลดลงอย่างมี นัยสำคัญเมื่อเทียบกับสายพันธ์ตั้งเดิม (H99) ในแบบจำลองแนวกั้นระหว่างหลอดเลือดและสมอง นอกจากนี้ยังคาดว่า เชื้อ C. neoformans ผ่านเข้าสู่สมองด้วยกลไก transcellular ซึ่งทดสอบด้วยวิธี FITC-dextran permeability assay ในด้านการเปลี่ยนแปลงทางสัณฐานวิทยาโดยการตรวจสอบ ภายใต้กล้องจุลทรรศน์พบว่า เชื้อทั้ง 2 สายพันธุ์ไม่สามารถสร้างสายราเทียมภายใต้สภาวะที่ถูกจำกัด ในโตรเจนได้ อย่างไรก็ตาม ความสามารถในการสร้างปัจจัยความรุนแรงของเชื้อสายพันธุ์กลายพันธุ์ amt2∆ ยังคงอยู่ ได้แก่ การเจริญที่อุณหภูมิ 37°C การสร้างเมลานิน การหลั่งเอนไซม์ยูรีเอส และ การหลั่งของเอนไซม์ฟอสโฟลิเพส เมื่อเทียบกับสายพันธุ์ดั้งเดิม นอกจากนี้ การเปรียบเทียบอัตราการ เจริญบนอาหารที่มีปริมาณในโตรเจนแตกต่างกันของเชื้อสายพันธุ์กลายพันธุ์และสายพันธุ์ดั้งเดิมยังคง ไม่แตกต่างกัน จากผลการศึกษาในครั้งนี้สรุปได้ว่า ยีน AMT2 มีบทบาทสำคัญในกระบวนการผ่านเข้า สู่สมองและส่งผลต่อความสามารถในการสร้างแคปซูล อย่างไรก็ตาม ยีน AMT2 ไม่มีความสัมพันธ์กับ

ปัจจัยความรุนแรงอื่น เช่น การหลั่งเอนไซม์ยูรีเอส การหลั่งของเอนไซม์ฟอสโฟลิเพส และ การสร้าง เมลานิน ของเชื้อ *C. neoformans* นอกจากนี้ เชื้อสายพันธุ์เชื้อสายพันธุ์กลายพันธุ์ *amt2∆* ยังไม่พบ ความบกพร่องของการเจริญเติบโตที่อุณหภูมิ 37°C ภายใต้สภาวะที่ถูกจำกัดในโตรเจน สำหรับ ทิศทางการวิจัยต่อเนื่องในอนาคตคือ การศึกษากลไกของยืน *AMT2* ในกระบวนการผ่านเข้าสู่สมอง ของเชื้อ *C. neoformans*



สาขาวิชาปรีคลินิก ปีการศึกษา 2565 ลายมือชื่อนักศึกษา <u>สายน้ำ พิพิธ ร้าง ข</u> ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา *ใหม่ ใจใน ใจใน* ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม *Walu ใจใน* SAINAMTHIP RANGDIST: THE ROLE OF *AMT2* GENE IN ASSOCIATION WITH VIRULENCE FACTORS AND TRANSMIGRATION PROCESS OF *CRYPTOCOCCUS NEOFORMANS* ACROSS THE BLOOD-BRAIN BARRIER. THESIS ADVISOR: MANTANA JAMKLANG, Ph.D. 59 PP.

Keyword: CRYPTOCOCCUS NEOFORMANS/ AMT2 GENE/ BLOOD-BRAIN BARRIER

Cryptococcus neoformans (Cn) is a pathogenic encapsulated yeast that cause life-threatening fungal invasion of the central nervous system (CNS) in immunocompromised individuals, including HIV patients. The mechanism of Cn in transmigration across the blood-brain barrier (BBB) is a complex process. Our previous data on cryptococcal transcriptome demonstrated that exposure of C. neoformans with the endothelial cells of the in vitro model of BBB upregulated some genes of C. neoformans including the amt family ammonium transporter (AMT2) whereas C. neoformans alone with no exposure to the BBB did not show the AMT2 gene expression change. Previous studies elsewhere revealed that the AMT2 induces an invasive phenotype expressing with pseudohyphal growth. Therefore, the aim of this study was to investigate the role of the AMT2 gene in the transmigration process of C. neoformans across the BBB and whether or not the AMT2 gene are associated with other common virulence factors as well as determine the relevant of the gene in morphological changes in C. neoformans.

In this study, we found that the mutant strain of *C. neoformans* lacking *AMT2* gene (*amt2A*) showed a significantly decreased transmigration ability compared to the wild-type strain (H99) determined by the *in vitro* model of BBB. The mechanism of *C. neoformans* was suspected to be transcellular invasion determined by FITC-dextran permeability assays. The morphological changes under nitrogen-limiting conditions were observed by light microscope did not reveal pseudohyphal growth in both tested strains. The ability to generate virulence factors including melanin production, growth rate at 37°C (thermotolerance), urease and phospholipase activity of both tested strains were comparable and the results showed the *AMT2* deletion was not associated with some virulence factors whereas the polysaccharide capsule size of the mutant

strain was significantly decreased when compared to that of the wild-type strain. In addition, the comparison of the growth rate of the mutant and wild-type strain on the ammonium depletion agar was not significantly different. In conclusion, *AMT2* gene plays a significant role in transmigration process across the BBB and capsule production of *C. neoformans*. However, *AMT2* gene was not associated with other important virulence factors such as urease production, phospholipase production and melanin pigment found in *C. neoformans*. Moreover, the mutant strain has no defect on growth at 37°C and low concentration of ammonium. Future direction is to explore how *AMT2* gene play roles in transmigration process of *C. neoformans*.



School of Preclinical Sciences

Academic Year 2022

Student's Signature_

Advisor's Signature

Co-advisor's Signature Walk

p Rangdist